

Zadanie 3.1. Poszerzenie zmienności genetycznej pomidora o odporność na wybrane stesy biotyczne oraz ważne cechy jakościowe.

Cel zadania: kontynuacja badań związanych z: 1) poszerzeniem zmienności genetycznej pomidora pod osłony i pomidora polowego o wartościowe cechy użytkowe, 2) oceną fenotypową stopnia porażenia roślin populacji mapującej, składającej się rekombinacyjnych linii wsobnych LA1604 x 'Rumba' przez odpowiednio wirusa brązowej plamistości pomidora (TSWV) oraz *P. infestans* (zaraza ziemniaka), 3) przygotowaniem genomowego DNA (wybrane materiały roślinne) zgodnie z wymogami wysokoprzepustowego sekwencjonowania DArTseq.

Opis zadania – zakres rzeczowy planowany na 2024 rok:

- 1) poszerzenie zmienności genetycznej pomidora o wartościowe cechy użytkowe: ocena zróżnicowania oraz wyrównania genetycznego materiałów hodowlanych pod względem wartościowych cech; selekcja i rozmnożenie generatywne wybranych genotypów pomidora odznaczających się najwyższymi wartościami pożądaných cech; krzyżowania międzyliniowe;
- 2) określenie zdolności kojarzeniowej materiałów wyjściowych otrzymanych w latach 2021-2023;
- 3) opracowanie molekularnej identyfikacji genów warunkujących odporność pomidora na TSWV;
- 4) mapowanie QTL warunkujących odporność pomidora na *P. infestans*.